

UNTERSUCHUNG AUF PATELLARLUXATION

Unter Bezug auf das ER-SHSB der SKG und das Zuchtreglement des Rasseklubs wurde der unten identifizierte Hund auf Patellarluxation untersucht. Hunde ohne Tätowierung oder Microchip müssen vor der Untersuchung gekennzeichnet werden.

Hinweis für den Besitzer: Bringen Sie die Original-Abstammungsurkunde zur Untersuchung mit. Füllen Sie den ersten Teil dieses Formulars selber aus (Besitzer, Angaben zum Hund). Sie bestätigen mit Ihrer Unterschrift die Identität des Hundes und versichern, dass keine Korrekturoperationen im Bereich der Hintergliedmassen vorgenommen worden sind.

Besitzer / Züchter

Name:	Baumgartner Denise
Adresse:	Bolackerweg 8
PLZ Wohnort:	4554 Etziken
Telefon:	032 614 44 44

Angaben zum untersuchten Hund

Erstkontrolle Nachkontrolle

Rasse:	Pudel	<input type="checkbox"/> Rüde <input checked="" type="checkbox"/> Hündin
Name des Hundes:	Madlyn Columba Livia	
SHSB - Nr.:	734211	Welche Operationen wurden am Hund durchgeführt:
Transponder Nr.:	7560972002007041	
Tätowierung:		Anzahl Würfe bisher: /
Geburtsdatum:	06.05.15	Anzahl geborene Welpen: /
Gewicht:	8,5	Unterschrift Besitzer: <i>D. Baumgartner</i>
SHSB - Nr. Vater:		
SHSB - Nr. Mutter:		

Klinische Untersuchung durch den Tierarzt

Kondition:	<input checked="" type="checkbox"/> gut	<input type="checkbox"/> befriedigend	<input type="checkbox"/> keine Zuchtkondition
Verdacht auf Systemkrankheiten:	<input checked="" type="checkbox"/> nein	<input type="checkbox"/> ja, welche:	
Verdacht auf Herz/Kreislaufkrankh.:	<input checked="" type="checkbox"/> nein	<input type="checkbox"/> ja, welche:	
Leiden im Respirationstrakt:	<input checked="" type="checkbox"/> nein	<input type="checkbox"/> ja, welche:	
Verdacht auf vererbte Defekte:	<input checked="" type="checkbox"/> nein	<input type="checkbox"/> ja, welche:	
persistierende Fontanelle:	<input checked="" type="checkbox"/> nein	<input type="checkbox"/> ja, Grösse: Ø	mm

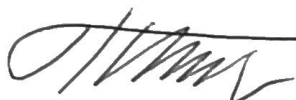
Patellarluxation

	links	rechts
Luxation nach:	<input checked="" type="checkbox"/> keine Luxation <input type="checkbox"/> nach medial <input type="checkbox"/> nach lateral	<input checked="" type="checkbox"/> keine Luxation <input type="checkbox"/> nach medial <input type="checkbox"/> nach lateral
Luxationsgrad:	<input type="checkbox"/> Grad 1 <input type="checkbox"/> Grad 2 <input type="checkbox"/> Grad 3 <input type="checkbox"/> Grad 4	<input type="checkbox"/> Grad 1 <input type="checkbox"/> Grad 2 <input type="checkbox"/> Grad 3 <input type="checkbox"/> Grad 4
Untersuchung durchgeführt:	<input checked="" type="checkbox"/> ohne Sedation	<input type="checkbox"/> mit Sedation

Der unterzeichnende Tierarzt versichert, dass er die Identität des Hundes überprüft hat, ihm die Original-Abstammungsurkunde vorgelegt wurde und eine Kopie der zuständigen Erfassungsstelle zugeleitet wird.

Stempel (Untersucher):
 Tierärztin Sonnenhof AG
 Luzernstrasse 55a
 4552 Derendingen
 Tel. 032 / 681 61 61

Unterschrift:



Datum:

15.09.2016



Postadresse/
 Adresse postale
 Postfach 8276
 3001 Bern

Geschäftsstelle/
 Secrétariat
 Länggassstr. 8
 3012 Bern
 Tel. 031 306 62 62
 Fax 031 306 62 60
 PC 30-22569-2
 skg@hundeweb.org
 scs@chienweb.org



BEFUNDBOGEN AUGENUNTERSUCHUNG

Certificate of eye examination

European College of Veterinary Ophthalmologists

SAVO Swiss Association of Veterinary Ophthalmologists info@s-a-v-o.ch www.s-a-v-o.ch

ECVO Reg.Nr.Untersuchung reg.no.examination

O-CH Nr. 1007533

ECVO Reg.Nr.Untersucher reg.no.examiner

S1

Tier animal

Name: Madlyn Columba livia, Rasse: Pudeln, Kleinpudel, Zuchtbuch Nr.: 734211, Mikrochip Nr.: 756097202007041, Wurfdatum: 06-05-2015, Geschlecht: Weiblich female, Zuchtverband: Schweizerischer Pudelnclub SPC, Farbe: apricot, Tätowier Nr.: ...

Eigentümer/Besitzer owner/agent

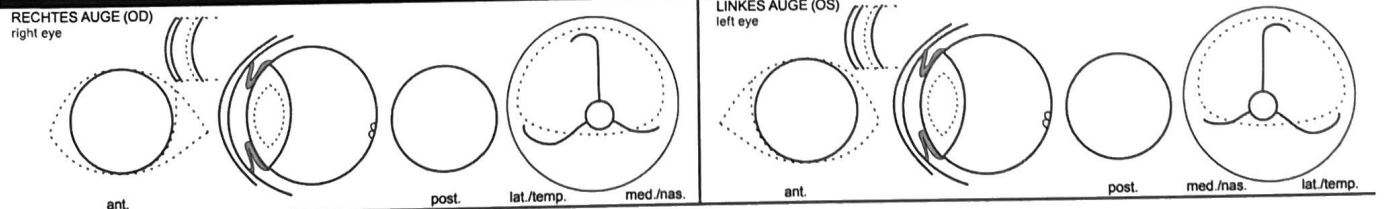
Name: Baumgartner Denise, Adresse: Bolackerweg 8, Land: CH, PLZ: 4554, Wohnort: Etziken

Der Unterzeichnende ist mit den Bestimmungen des nationalen Untersuchungsprogrammes (SAVO) und des European College of Veterinary Ophthalmologists (ECVO) einverstanden und bestätigt, dass das zur Untersuchung vorgestellte Tier das oben beschriebene ist. Er stimmt der elektronischen Speicherung dieses Zertifikates durch die SAVO und VetZ ausdrücklich zu und genehmigt die Weiterleitung des Zertifikates an den oben angegebenen Zuchtverband. Er ist mit der Auswertung der nachfolgenden Untersuchungsergebnisse einverstanden und erlaubt anonymisierte Veröffentlichung der Untersuchungsergebnisse durch die SAVO, das ECVO und VetZ.

D. Baumgartner, Datum, Unterschrift Eigentümer/Besitzer

Untersuchung examination

Datum: 12-03-2021, Standardmethode: Mydriatikum, Indirekte Ophthalmoskopie, Spaltlampen-Biomikroskopie >= 10x, Kontrolle der Tätowierung: Richtig, Kontrolle des Mikrochips: Richtig, Bei Anwendung einer weiteren Methode ist dieses Formular nur zusammen mit einer präzisierenden Urkunde gültig.



Anmerkungen: 8. ICAA: Lig. Pectinatum Anomalie, Geringgradig, Mittelgradig, Hochgradig, Augenerkrankung Nr.: Geringgradig, Hochgradig, Kammerwinkelweite: Eng (mittelgradig), Verschluss (hochgradig)

Table with columns for 'Erbliche und vermutlich erbliche Augenerkrankungen' and 'Bescheinigt für 12 Monate'. Rows include Membrana Pupillaris Persistens (MPP), Katarakt, Retinadysplasie, etc.

Erklärungen interpretation

* „Frei“. Keine Anzeichen der genannten als erblich angesehenen Augenerkrankung. „Nicht frei“. Die klinischen Anzeichen der genannten als erblich angesehenen Augenerkrankung sind vorhanden. ** Sehr geringe klinische Anzeichen, die möglicherweise auf die genannte als erblich angesehenen Augenerkrankung zutreffen, die Veränderungen sind aber nicht ausreichend spezifisch.

Für weitere Informationen bitte wenden an: Untersucher Dr. med. vet. Jürg Bolliger, Ort Oftringen, Unterschrift Untersucher, autorisiert durch ECVO

Laboklin GmbH & Co. KG, Max Kämpf-Platz 1 Postfach, 4002 Basel

Tierklinik Sonnenhof AG
Dres.med.vet. Baumgartner / Schneiter
Luzernstr. 55 a
4552 Derendingen
Schweiz

Untersuchungsbefund Nr.: **2206-C-14327**
Probeneingang: 11.06.2022
Datum Befund: 28.10.2022
Untersuchungsbeginn: 11.06.2022
Untersuchungsende:
Befundstatus: Teilbefund

Tierart:	Hund
Rasse:	Kleinpudel
Geschlecht:	weiblich
Name:	Madlyn Columba Livia
Zuchtbuchnummer:	SHSB 724211
Chipnummer:	756097202007041
Geburtsdatum / Alter:	05.06.2015
Probenmaterial:	Backenabstriche
Probenentnahme:	08.06.2022
Patientenbesitzer:	Baumgartner, Denise
Club:	Schweizerischer Pudel-Club
EDV-Nummer / Befund-ID:	---

Paket Pudel

Parameter	Ist-Wert
Name:	Madlyn Columba Livia
ZB-Nummer:	SHSB 724211
Chip-Nummer:	756097202007041
Tattoo-Nummer:	---

Degenerative Myelopathie - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N (Exon 2)

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht den Hochrisikofaktor für DM im Exon 2 des SOD1-Gens.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Bitte beachten Sie: In der Rasse Berner Sennenhund tritt auch die Mutation im Exon 1 des SOD1-Gens im Zusammenhang mit DM auf.

von-Willebrand-Erkrankung Typ I (vWD1) - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für vWD Typ I im vWF-Gen.

Erbgang: autosomal-dominant mit variabler Penetranz

lock

Eine Korrelation zwischen dieser Mutation und der Erkrankung wurde bisher bei folgenden Rassen beschrieben: Berner Sennenhund, Coton de Tulear, Deutscher Pinscher, Dobermann, Drentse Patrjishond, Irish Setter, Irish Red and White Setter, Kerry Blue Terrier, Kromfohländer, Manchester Terrier, Papillon, Pembroke Welsh Corgi, Pudel und Stabyhoun.

Neonatale Enzephalopathie - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für NEWS im ATF2-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Eine Korrelation zwischen dieser Mutation und der Erkrankung wurde bisher bei folgenden Rassen beschrieben: Großpudel

Progressive Retinaatrophie (prcd-PRA) - PCR *

Ergebnis: Genotyp N/N (A)

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für die prcd-PRA im PRCD-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Eine Korrelation zwischen dieser Mutation und der Erkrankung ist bisher bei folgenden Rassen beschrieben: American Cocker Spaniel, American Eskimo Dog, Australian Cattle Dog, Australian Shepherd, Australian Stumpy Tail Cattle Dog, Barbet, Bearded Collie, Bologneser, Bolonka Zwetna, Chesapeake Bay Retriever, Chihuahua, Chinese Crested, English Cocker Spaniel, English Shepherd, Entlebucher Sennenhund, Finnischer Lapphund, Golden Retriever, Jack Russell Terrier, Karelischer Bärenhund, Kuvasz, Lappländischer Rentierhund, Labrador Retriever, Lagotto Romagnolo, Markiesje, Norwegischer Elchhund, Nova Scotia Duck Tolling Retriever, Parson Russell Terrier, Portugiesischer Wasserhund, Pudel, Riesenschнауzer, Schipperke, Silky Terrier, Spanischer Wasserhund, Spitz, Schwedischer Lapphund, Wäller, Yorkshire Terrier.

Progressive Retinaatrophie (rcd4 PRA) - PCR

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Wildtyp-Allel. Es trägt somit nicht die ursächliche Mutation für rcd4-PRA im C2orf71-Gen.

Erbgang: autosomal-rezessiv

Eine Korrelation zwischen dieser Mutation und der Erkrankung wurde bisher bei folgenden Rassen beschrieben: Altdönerischer Vorstehhund, Australian Cattle Dog, English Setter, Gordon Setter, Irish Red&White Setter, Irish Setter, Kleiner Münsterländer, Polski Owczarek Nizinny, Polski Owczarek Podhalanski, Pudel, Tibet Terrier

ACHTUNG: Es ist davon auszugehen, dass es weitere bisher unbekannte ursächliche Mutationen gibt, da etwa 10% der erkrankten Hunde der Rassen Irish und Gordon Setter und etwa 80% der kranken Hunde der Rasse Tibet Terrier diese Mutation nicht tragen.

Paket Fellfarben Hund

Parameter	Ist-Wert
Name:	Madlyn Columba Livia
ZB-Nummer:	SHSB 724211
Chip-Nummer:	756097202007041
Tattoo-Nummer:	---

B-Lokus (braun, chocolate, liver(nose))

Diese genetische Analyse des B-Lokus erfasst die bisher für alle Rassen beschriebenen drei Varianten bd, bc und bs, sowie den jeweiligen Wildtyp als Allel N.

Variante bd

Leider war die Auswertung dieses Tests aus dem Paket über das eingesendete Probenmaterial nicht möglich.

Wir bitten daher um Neueinsendung von EDTA Blut.

Der Test wurde bereits im Gesamtpreis des Pakets berechnet. Daher wird diese Nachsendung kostenfrei bearbeitet, wenn Sie die oben genannte Befundnummer als Referenz mit angeben.

Variante bc

Ergebnis für bc: Genotyp N/N (zuvor B/B)

Interpretation: Das untersuchte Tier besitzt kein bc-Allel.

Variante bs

Ergebnis für bs: Genotyp N/N (zuvor B/B)

Interpretation: Das untersuchte Tier besitzt kein bs-Allel.

Liegt eine der Varianten reinerbig (homozygot) vor, so wird das dunkle Pigment (Eumelanin) entsprechend verändert. Liegen mehrere der Varianten am B-Lokus mischerbig (heterozygot) vor, kann man keinen direkten Rückschluss auf die Ausprägung des Eumelanin ziehen.

Der Gesamt-Genotyp des B-Lokus-Komplex kann nur unter Einbeziehung der Testergebnisse aller bisher bekannten Allele am B-Lokus (bd, bc, bs, b4 und be) eindeutig erstellt werden. Die Spezifität einiger Allele für bestimmte Rassen ist zu beachten.

Bitte beachten Sie: Die Nomenklatur der Ergebnisse wurde aus Gründen der Harmonisierung von Gentestergebnissen angepasst.

D-Lokus D1 (Dilution, Verdünnung)

Ergebnis für d1: Genotyp N/N (zuvor D/D)

Interpretation: Das untersuchte Tier besitzt kein d1-Allel.

Der Gesamt-Genotyp des D-Lokus-Komplex kann nur unter Einbeziehung der Testergebnisse aller bisher bekannten Allele am D-Lokus (d1, d2 und d3) eindeutig erstellt werden. Die Spezifität einiger Allele für bestimmte Rassen ist zu beachten.

Bitte beachten Sie: Die Nomenklatur der Ergebnisse wurde aus Gründen der Harmonisierung von Gentestergebnissen angepasst.

E-Lokus e1 (gelb, lemon, rot, cream, apricot) - PCR

Ergebnis für e1: Genotyp e1/e1 (zuvor e/e)

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das e1-Allel.

Der Gesamt-Genotyp des E-Lokus-Komplex kann nur unter Einbeziehung der Testergebnisse aller bisher bekannten Allele am E-Lokus (e1, e2, e3, eA, eg, eh und EM) eindeutig erstellt werden. Die Spezifität einiger Allele für bestimmte Rassen ist zu beachten.

Bitte beachten Sie: Die Nomenklatur der Ergebnisse wurde aus Gründen der Harmonisierung von Gentestergebnissen angepasst.

I-Lokus (Phäomelanin-Intensität) - PCR

Ergebnis: Genotyp I/I

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das I Allel.

Der Test erfasst die Allele I und i.
Allelische Reihe: I dominant über i

K-Lokus - PCR

Ergebnis: Genotyp Kb/Kb

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das Kb-Allel.

Der Test erfasst die Allele Kb und ky.
Allelische Reihe: Kb dominant über ky

A-Lokus (Agouti) - PCR

Ergebnis: Genotyp Ay/at

Interpretation: Das untersuchte Tier ist heterozygot für das Ay- und at-Allel.

Der Test erfasst die Allele Ay, Aw, at und a. Allelische Reihe: Ay dominant über Aw, Aw dominant über at, at dominant über a

S-Lokus (Weißscheckung, Piebald)

Ergebnis: Genotyp N/N

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das N Allel.
Der Test erfasst die Allele N und S.
Es handelt sich um einen semi dominanten Erbgang.

Bitte beachten Sie: Es existieren weitere genetische Varianten für eine Weißscheckung, die bisher noch nicht über einen Gentest erfasst werden können.

K-Lokus (brindle)

Bitte beachten Sie: ab sofort bietet LABOKLIN keinen Versand der Proben für den brindle-Gentest mehr an. Es gibt die Möglichkeit den Test auf K-Lokus bei uns im Haus durchzuführen, hierbei wird allerdings nur auf die Allele KB und ky getestet. Es kann von diesem Ergebnis keine Aussage über das Vorhandensein oder die Abwesenheit des kbr (brindle) Allels getroffen werden.

Das Ergebnis gilt nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Verantwortung für die Richtigkeit der Angaben zu den eingesandten Proben liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen dafür können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt, im Übrigen haften wir nur für Vorsatz und grobe Fahrlässigkeit, soweit gesetzlich möglich.

Weitere Genveränderungen, die ebenfalls die Ausprägung der Erkrankung/Merkmale beeinflussen können, können nicht ausgeschlossen werden. Die Untersuchung/en erfolgte/n nach dem derzeitigen allgemeinen wissenschaftlichen Kenntnisstand.

Das Labor ist für die auf diesem Befund aufgeführten Untersuchungen akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018

(ausgenommen Partnerlabor-Leistungen).

Premium SNP DNA-Profil (ISAG 2020)

Parameter	Ist-Wert
Name:	Madlyn Columba Livia
ZB-Nummer:	SHSB 724211
Chip-Nummer:	756097202007041
Tattoo-Nummer:	---

Premium SNP DNA-Profil (ISAG 2020)

Parameter	Ist-Wert
001_012:	AA_AG_AG_GG_AA_AG_AA_AG_GG_CC_AA_GG
013-024:	AG_GG_GG_AG_AG_AG_AA_AA_AG_AG_AA_AG
025-036:	GG_.._GG_AG_AG_AG_AG_GG_AG_AG_AA_AA
037-048:	GG_AG_AC_AA_AG_GG_AG_AG_GG_AC_GG_AG
049-060:	AA_CC_.._CC_AG_AA_AG_AC_AA_AG_GG_AA
061-072:	AC_AA_AA_GG_GG_AG_AG_GG_GG_AA_CC_AA
073-084:	GG_AC_AG_GG_AC_AG_AG_GG_GG_AA_AA_AA
085-096:	GG_AG_GG_GG_AG_AG_AA_AG_GG_AA_AA_GG
097-108:	AA_AG_GG_AG_GG_AC_AA_AC_AA_AG_AA_GG
109-120:	AG_AA_CC_AA_AA_AA_AA_GG_GG_GG_AG_AG
121-132:	GG_AA_AG_GG_AA_AG_AA_AG_AA_AG_AG_AG
133-144:	GG_AG_AA_GG_AA_AG_GG_AA_AA_AG_AG_AG
145-156:	AG_AG_AA_GG_AG_AG_GG_AA_.._AA_AG_GG
157-168:	AG_AG_AG_CC_CC_GG_AC_AA_GG_GG_CC_AA
169-180:	GG_GG_CC_GG_AA_AG_AA_AA_AG_AA_AA_AG
181-192:	AG_AG_GG_AA_CC_GG_AA_AA_AA_AA_AA_GG
193-204:	GG_AG_AA_GG_AA_AA_AG_AG_AA_AG_GG_AA
205-216:	AA_GG_GG_AG_.._AC_AG_AG_AA_AG_AA_AA
217-228:	AA_AG_AG_AA_AG_AA_AG_AG_AG_AA_AA_GG
229-230:	CC_AC
sex:	X/X

Informationen zum Premium SNP DNA-Profil

Das Premium SNP DNA-Profil ist der genetische Fingerabdruck Ihres Tieres und erlaubt seine eindeutige Identifizierung. Es bleibt das ganze Leben lang gleich und kann nicht manipuliert werden. Jedes bei uns erstellte DNA-Profil wird in unserer DNA-Datenbank gespeichert und steht Ihnen so dauerhaft zur Verfügung. Das DNA-Profil beinhaltet keine Informationen zu Merkmalen oder zu Krankheiten Ihres Tieres. Das Premium SNP DNA-Profil begutachtet alle von der ISAG empfohlenen SNPs aus dem Kernpanel (1) und dem Zusatzpanel (2) (nummeriert von 001-230). Die folgende Tabelle zeigt die entsprechende international geltende ISAG Nomenklatur (Cfam_Chromosom:Position) der untersuchten SNPs.

Num Panel Chr:Pos

001 1 Cfam_1:3962719	002 1 Cfam_1:20842130	003 1 Cfam_1:70238933	004 1 Cfam_1:80971770	005 1 Cfam_1:106430955
006 1 Cfam_1:119414584	007 1 Cfam_2:2610859	008 1 Cfam_2:38293797	009 1 Cfam_2:77806065	010 1 Cfam_3:1252765
011 1 Cfam_3:24757939	012 1 Cfam_3:73570828	013 1 Cfam_4:31301072	014 1 Cfam_4:64121754	015 1 Cfam_4:75910211
016 1 Cfam_4:86049027	017 1 Cfam_5:5410890	018 1 Cfam_5:26320165	019 1 Cfam_5:85451804	020 1 Cfam_6:11553458
021 1 Cfam_6:33976751	022 1 Cfam_6:64006720	023 1 Cfam_7:76294	024 1 Cfam_7:15011628	025 1 Cfam_7:36555518
026 1 Cfam_8:5291824	027 1 Cfam_8:18121580	028 1 Cfam_8:45852939	029 1 Cfam_8:63196958	030 1 Cfam_9:22610227
031 1 Cfam_9:40096141	032 1 Cfam_9:52710991	033 1 Cfam_9:60437147	034 1 Cfam_10:10652659	035 1 Cfam_10:22409408
036 1 Cfam_10:30034450	037 1 Cfam_10:66922269	038 1 Cfam_11:5318488	039 1 Cfam_11:23907101	040 1 Cfam_11:65603333
041 1 Cfam_12:5579055	042 1 Cfam_12:35306641	043 1 Cfam_12:55201839	044 1 Cfam_12:68125319	045 1 Cfam_13:8704192
046 1 Cfam_13:59896033	047 1 Cfam_14:50063321	048 1 Cfam_14:58465266	049 1 Cfam_15:19299365	050 1 Cfam_15:22834903
051 1 Cfam_16:29634940	052 1 Cfam_16:46884446	053 1 Cfam_16:57958947	054 1 Cfam_17:10649078	055 1 Cfam_17:34462308
056 1 Cfam_17:39124697	057 1 Cfam_18:6745949	058 1 Cfam_18:54361347	059 1 Cfam_19:841347	060 1 Cfam_19:15926130
061 1 Cfam_19:27288167	062 1 Cfam_19:47470564	063 1 Cfam_20:13740894	064 1 Cfam_20:49900586	065 1 Cfam_20:57167714
066 1 Cfam_21:15558670	067 1 Cfam_21:25537675	068 1 Cfam_21:35719434	069 1 Cfam_22:641125	070 1 Cfam_22:26694580
071 1 Cfam_22:55308193	072 1 Cfam_23:42886681	073 1 Cfam_23:50772488	074 1 Cfam_24:23393510	075 1 Cfam_24:29909901
076 1 Cfam_24:47381908	077 1 Cfam_25:2073511	078 1 Cfam_25:33986348	079 1 Cfam_25:47708600	080 1 Cfam_26:20004896
081 1 Cfam_26:35071515	082 1 Cfam_27:2619058	083 1 Cfam_27:22599860	084 1 Cfam_27:41049333	085 1 Cfam_28:9877730
086 1 Cfam_28:18509221	087 1 Cfam_28:38885325	088 1 Cfam_29:251970	089 1 Cfam_29:9625359	090 1 Cfam_29:17561258
091 1 Cfam_29:36319325	092 1 Cfam_30:3896482	093 1 Cfam_30:15542105	094 1 Cfam_30:32852404	095 1 Cfam_31:21068798
096 1 Cfam_31:39391935	097 1 Cfam_32:679380	098 1 Cfam_32:17792284	099 1 Cfam_32:32382778	100 1 Cfam_33:15018500
101 1 Cfam_33:23742061	102 1 Cfam_34:195313	103 1 Cfam_34:24396298	104 1 Cfam_35:15345329	105 1 Cfam_36:3565500
106 1 Cfam_36:12714421	107 1 Cfam_36:23459390	108 1 Cfam_37:9398945	109 1 Cfam_37:15436615	110 1 Cfam_37:27667297
111 1 Cfam_38:9224942	112 1 Cfam_38:17657161	113 1 Cfam_38:20441216	114 2 Cfam_1:72613047	115 2 Cfam_1:74450772
116 2 Cfam_1:119306331	117 2 Cfam_3:10255068	118 2 Cfam_3:37849557	119 2 Cfam_3:43055696	120 2 Cfam_3:43063677
121 2 Cfam_3:64084413	122 2 Cfam_3:90291255	123 2 Cfam_3:91626907	124 2 Cfam_4:42104780	125 2 Cfam_4:67040898
126 2 Cfam_4:70217695	127 2 Cfam_5:13080303	128 2 Cfam_5:36642434	129 2 Cfam_5:44650576	130 2 Cfam_5:55349573
131 2 Cfam_5:64611038	132 2 Cfam_7:3318809	133 2 Cfam_7:6423299	134 2 Cfam_7:15017979	135 2 Cfam_7:76487265
136 2 Cfam_8:6188937	137 2 Cfam_8:19076567	138 2 Cfam_8:24614720	139 2 Cfam_8:52381322	140 2 Cfam_8:67183794
141 2 Cfam_9:20867959	142 2 Cfam_9:32506288	143 2 Cfam_9:50114927	144 2 Cfam_9:56021221	145 2 Cfam_10:8085469
146 2 Cfam_10:14685262	147 2 Cfam_10:39548483	148 2 Cfam_10:47923623	149 2 Cfam_10:57954366	150 2 Cfam_11:1161870
151 2 Cfam_11:62157625	152 2 Cfam_11:70698603	153 2 Cfam_12:6337286	154 2 Cfam_12:8532712	155 2 Cfam_12:23059939
156 2 Cfam_12:40681020	157 2 Cfam_12:70657733	158 2 Cfam_13:40616856	159 2 Cfam_14:55735620	160 2 Cfam_16:29675662
161 2 Cfam_16:58093031	162 2 Cfam_17:9407683	163 2 Cfam_17:12787849	164 2 Cfam_17:57371669	165 2 Cfam_18:10189759
166 2 Cfam_18:16385020	167 2 Cfam_18:16388978	168 2 Cfam_18:31579269	169 2 Cfam_18:47325586	170 2 Cfam_19:30246414
171 2 Cfam_19:40189405	172 2 Cfam_19:42756283	173 2 Cfam_20:6046176	174 2 Cfam_20:45777531	175 2 Cfam_20:48602465
176 2 Cfam_21:22581321	177 2 Cfam_21:29796784	178 2 Cfam_21:31751817	179 2 Cfam_22:20498421	180 2 Cfam_22:33934047
181 2 Cfam_22:37522364	182 2 Cfam_22:39647748	183 2 Cfam_22:61153661	184 2 Cfam_23:44497217	185 2 Cfam_23:48055836
186 2 Cfam_24:18599997	187 2 Cfam_24:27925354	188 2 Cfam_24:30954773	189 2 Cfam_24:43589304	190 2 Cfam_24:45191477
191 2 Cfam_25:4614777	192 2 Cfam_27:20948372	193 2 Cfam_27:34444177	194 2 Cfam_27:42526114	195 2 Cfam_28:9703418
196 2 Cfam_28:12804225	197 2 Cfam_28:34478533	198 2 Cfam_28:35104850	199 2 Cfam_29:4020192	200 2 Cfam_29:4022252
201 2 Cfam_29:19681270	202 2 Cfam_29:22992304	203 2 Cfam_30:10012939	204 2 Cfam_30:11735245	205 2 Cfam_30:27619023
206 2 Cfam_31:20912553	207 2 Cfam_32:13183511	208 2 Cfam_33:15233992	209 2 Cfam_33:22070526	210 2 Cfam_33:22472901
211 2 Cfam_33:22648231	212 2 Cfam_34:24351570	213 2 Cfam_34:34993916	214 2 Cfam_34:37323213	215 2 Cfam_34:41703614
216 2 Cfam_35:15283717	217 2 Cfam_36:288045	218 2 Cfam_36:9241262	219 2 Cfam_36:10084888	220 2 Cfam_36:12723744
221 2 Cfam_36:18627936	222 2 Cfam_37:18338930	223 2 Cfam_37:26611359	224 2 Cfam_37:28611801	225 2 Cfam_37:30110473
226 2 Cfam_37:30902202	227 2 Cfam_38:13098194	228 2 Cfam_38:15271384	229 2 Cfam_38:19172567	230 2 Cfam_38:20930997

Parameter

Ist-Wert

Freischaltcode:

006673D702CE6CEE

Baumgartner, Denise

Zertifikat

über den Gentest Degenerative Myelopathie (DM - Exon 2) - PCR

LABOKLIN-Befund-Nr.: 1706C12255

Hund: Pudel, weiblich, * 06.05.15
"Madlyn Columba Livia"


Zuchtbuch-Nummer: 734211

Chip-Nummer: 7560972002007041

Täto-Nummer: ---

Ergebnis DM - Exon 2: Genotyp N/N (frei)

LABOKLIN
LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO. KG
Steubenstr. 4 · 97688 Bad Kissingen
Tel. (09 71) 7 20 20 · Fax (09 71) 6 85 46
Bad Kissingen, 19-06-2017


Hr. Dr. Beitzinger
Dipl.-Biol. Molekularbiologie

Nur gültig mit Originalsiegel
Only valid with original seal.



Steubenstraße 4 · 97688 Bad Kissingen · Tel.: 09 71/7 20 20 · Fax: 09 71/6 85 46 · e-Mail: info@laboklin.com · USt.ID DE206897824
Geschäftsführender Gesellschafter: LABOKLIN Verwaltungs-GmbH · RG. Schweinfurt HRA 3631



Deutsche
Akkreditierungsstelle
D-PL-13186-01-00

Die Verantwortung für Probenentnahme und -identität liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt.

The liability for sampling procedure and proof of identity lies with the sender. Warranty claims are not accepted. Damage claims are restricted to the amount of the invoice.